Лаборатория ООО "ЕМЛ"
Санкт-Петербург, ул. Днепропетровская, д.33, лит.А, пом.3Н
тел.: +78124094099 +78005511609 http://www.e-m-l.ru
Лицензия ЛО 78-01-009929 от 25 июня 2019
Участник Федеральной Системы Внешней Оценки Качества клинических лабораторных исследований (ФСВОК)

ИВАНОВ ИВАН ИВАНОВИЧ

Заказчик: **Express Medical Laboratory**

Пол:	**М**
Возраст:	**22 г.(01.01.2001)**
ИНЗ:	01228490860030164612
Дата взятия образца:	21.01.2023
Дата поступления образца:	02.02.2023 16:24
Врач:	02.02.2023 16:24
Дата печати результата:	02.02.2023 16:24

ПЦР Исследования

Название теста	*Результат*	*Референсные значения*	*Комментарий*
Herpes Simplex Virus 1/2, ДНК [Real-time PCR]	Не обнаружено	Не обнаружено	

Исследованные биоматериалы: Моча

1345405404

Для проверки легальности бланка - отсканируйте QR

Исследование закрыл врач: Гуркина Н

Лаборатория ООО "ЕМЛ"
Санкт-Петербург, ул. Днепропетровская, д.33, лит.А, пом.3Н
тел.: +78124094099 +78005511609 http://www.e-m-l.ru
Лицензия ЛО 78-01-009929 от 25 июня 2019
Участник Федеральной Системы Внешней Оценки Качества клинических лабораторных исследований (ФСВОК)

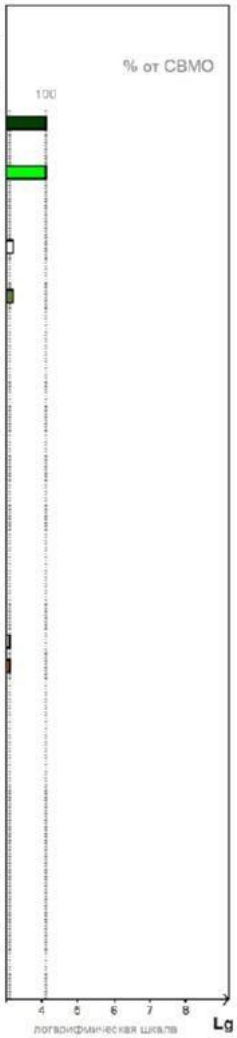
ИВАНОВ ИВАН ИВАНОВИЧ

Заказчик: **Express Medical Laboratory**

Пол:	**М**
Возраст:	**22 г.(01.01.2001)**
ИНЗ:	01228490880000045886
Дата взятия образца:	21.01.2023
Дата поступления образца:	02.02.2023 16:26
Врач:	02.02.2023 16:29
Дата печати результата:	02.02.2023 16:29

Андрофлор

№	Название исследования	Результат: Количественный	Результат: Относительный Lg(X/СВМО)
	Геномная ДНК человека	$10^{4.2}$	
1	Общая бактериальная масса	$10^{4.1}$	
	Транзиторная микрофлора		
2	Lactobacillus spp.	$10^{4.1}$	0.0 (85-100%)
	Нормофлора		
3	Staphylococcus spp.	не выявлено	
4	Streptococcus spp.	$10^{3.2}$	-0.9 (11-14%)
5	Corynebacterium spp.	не выявлено	
	Сумма: Нормофлора	$10^{3.2}$	-0.9 (11-14%)
	УПМ, ассоциированные с бакваганозом		
6	Gardnerella vaginalis	не выявлено	
7	Megasphaera spp. / Veillonella spp. / Dialister spp.	не выявлено	
8	Sneathia spp. / Leptotrichia spp. / Fusobacterium spp.	не выявлено	
9	Ureaplasma urealyticum *	не выявлено	
10	Ureaplasma parvum *	не выявлено	
11	Mycoplasma hominis *	не выявлено	
12	Atopobium cluster	не выявлено	
	Сумма: УПМ, ассоциированные с бакваганозом	не выявлено	
	УПМ анаэробы		
13	Bacteroides spp. / Porphyromonas spp. / Prevotella spp.	не выявлено	
14	Anaerococcus spp	не выявлено	
15	Peptostreptococcus spp. / Parvimonas spp.	не выявлено	
16	Eubacterium spp.	$10^{3.1}$	-1.0 (8-11%)
	Сумма: УПМ анаэробы	$10^{3.1}$	-1.0 (8-11%)
	УПМ Haemophilus spp.		
17	Haemophilus spp.	не выявлено	
	УПМ Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.		
18	Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp	не выявлено	
	УПМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.		
19	Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.	не выявлено	
	Дрожжевые грибы		
20	Candida spp. *	ниже ПЗ ***	
	Патогены		
21	Mycoplasma genitalium **	не выявлено	
22	Trichomonas vaginalis **	не выявлено	
23	Neisseria gonorrhoeae **	не выявлено	
24	Chlamydia trachomatis **	не выявлено	



* Абсолютный анализ Lg(X) ** Качественный анализ *** Ниже порогового значения

Заключение

ДНК патогенных микроорганизмов не выявлена.
Candida spp. ниже порогового значения.
Превышение пороговых значений транзиторной микрофлоры. Транзиторная микрофлора может быть причиной острых воспалительных процессов нижних отделов урогенитального тракта. Соблюдение правил подготовки пациента и методики взятия биоматериала влияют на результат исследования.

Исследованные биоматериалы: Соскоб (уретра)

1345405404

Для проверки легальности бланка - отсканируйте QR

Исследование закрыл врач: Гуркина Н

Общество с ограниченной ответственностью ИНН 7816243748 Express Medical Laboratory Санкт-Петербург

Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени Андрофлор®, Андрофлор® Скрин

Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: Neisseria gonorrhoeae, Chlamydia trachomatis, Mycroplasma genitalium, Trichomonas vaginalis;
- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса – ОБМ), нормофлоры и условно - патогенных микроорганизмов; Термин “УМП, ассоциированные с баквагинозом” используют для обозначения группы микроорганизмов в развитии урогенитальных заболеваний у мужчин.
- количественную оценку грибов рода Candida.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах(ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности урогенитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ(Lg10) и в процентах(%) от ОБМ. Значения показателей в процентах(%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты(%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микроплазм (Ureaplasma urealyticum, Ureaplasma parvum, Mycroplasma hominis) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза. Степень дисбиоза оценивается только при ОБМ>10^5 .

Для удобства трактовки результатов в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

Контрольные показатели (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, транзиторная микрофлора):

☐ - соответствие критериям

🟥 - не соответствие критериям

Нормофлора:

🟩 - соответствие критериям нормы

🟨 - умеренное отклонение от критериев нормы

🟥 - выраженное отклонение от критериев нормы

УПМ и дрожжеподобные грибы:

☐ - соответствие критериям нормы

🟨 - умеренное отклонение от критериев нормы

🟥 - выраженное отклонение от критериев нормы

Патогены:

☐ - не выявлено

🟥 - обнаружено

Результат, в котором значение показателя ОБМ ниже порогового значения сочетается со значением показателя «Геномная ДНК человека» выше порогового значения, трактуется как «Нормоценоз» без оценки структуры микробиома. В этом случае цветовая маркировка в бланке результатов отсутствует.

Дополнительно с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.