

Иванов Иван Иванович

Пол: М
Возраст: 34 г.(01.01.1990)
ИНЗ: 0146551212121212045886
Дата взятия образца: 17.10.2023 17:09
Дата поступления образца: 18.10.2023 07:23
Врач: 18.10.2023 18:20
Дата печати результата: 18.10.2023 16:21

Андрофлор

№	Название исследования	Результат		% от ОБМ
		Количественный	Относительный Lg(X/ОБМ)	
	Геномная ДНК человека	10 ^{3.5}	<input type="checkbox"/>	
1	Общая бактериальная масса	10 ^{4.1}	<input type="checkbox"/>	
Транзитная микрофлора				
2	Lactobacillus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
Нормофлора				
3	Staphylococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
4	Streptococcus spp.	10 ^{3.2}	-0.9 (11-14%)	
5	Corynebacterium spp.	10 ^{3.2}	-0.9 (11-14%)	
	Сумма: Нормофлора	10 ^{3.5}	-0.6 (21-29%)	
УПМ, ассоциированные с баквагинозом				
6	Gardnerella vaginalis	10 ^{3.2}	-0.9 (11-14%)	
7	Ureaplasma urealyticum *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
8	Ureaplasma parvum *	10 ^{3.1}		
9	Mycoplasma hominis *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
	Сумма: УПМ, ассоциированные с баквагинозом	10 ^{3.5}	-0.6 (19-26%)	
УПМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.				
10	Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
Дрожжевые грибы				
11	Candida spp. *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
Патогены				
12	Mycoplasma genitalium **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
13	Trichomonas vaginalis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
14	Neisseria gonorrhoeae **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
15	Chlamydia trachomatis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	

* Абсолютный анализ Lg(X) ** Качественный анализ *** Ниже порогового значения

Заключение

ДНК патогенных микроорганизмов не выявлена.
 ДНК дрожжевых грибов Candida spp. не выявлена.
 Структура бактериального микробиома не соответствует норме: присутствуют условно-патогенные микроорганизмы (преобладают условно-патогенные микроорганизмы, ассоциированные с бактериальным вагинозом).

Исследованные биоматериалы: Моча



Исследование закрыл врач: Гуркина Н



Для проверки легальности бланка - отсканируйте QR



Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени Андрофлор®, Андрофлор® Скрин

Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;
- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса – ОБМ), нормофлоры и условно - патогенных микроорганизмов; Термин “УМП, ассоциированные с баквагинозом” используют для обозначения группы микроорганизмов в развитии урогенитальных заболеваний у мужчин.
- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах(ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности урогенитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ(Lg10) и в процентах(%) от ОБМ. Значения показателей в процентах(%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты(%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микоплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза. Степень дисбиоза оценивается только при ОБМ $>10^5$.

Для удобства трактовки результатов в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

Контрольные показатели (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, транзиторная микрофлора):

- соответствие критериям
- не соответствие критериям

Нормофлора:

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

УМП и дрожжеподобные грибы:

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

Патогены:

- не выявлено
- обнаружено

Результат, в котором значение показателя ОБМ ниже порогового значения сочетается со значением показателя «Геномная ДНК человека» выше порогового значения, трактуется как «Нормоценоз» без оценки структуры микробиома. В этом случае цветовая маркировка в бланке результатов отсутствует.

Дополнительно с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.