

ИВАНОВ ИВАН ИВАНОВИЧ

Пол: М
Возраст: 34 л.(01.01.1990)
ИНЗ: 012112121212121212
Дата взятия образца: 18.03.2024
Дата поступления образца: 19.03.2024 05:20
Врач: 19.03.2024 15:06
Дата печати результата: 19.03.2024 15:06

Андрофлор

№	Название исследования	Результат		% от СВМО
		Количественный	Относительный Lg(X/СВМО)	
	Геномная ДНК человека	10 ^{3.1}	<input type="checkbox"/>	
1	Общая бактериальная масса	10 ^{3.2}	<input type="checkbox"/>	
Транзиторная микрофлора				
2	Lactobacillus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
Нормофлора				
3	Staphylococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
4	Streptococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
5	Corynebacterium spp.	10 ^{3.1}	-0.1 (68-91%)	
	Сумма: Нормофлора	10 ^{3.1}	-0.1 (68-91%)	<input type="checkbox"/>
УПМ, ассоциированные с баквагинозом				
6	Gardnerella vaginalis	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
7	Megasphaera spp. / Veillonella spp. / Dialister spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
8	Sneathia spp. / Leptotrichia spp. / Fusobacterium spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
9	Ureaplasma urealyticum *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
10	Ureaplasma parvum *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
11	Mycoplasma hominis *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
12	Atopobium cluster	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
	Сумма: УПМ, ассоциированные с баквагинозом	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
УПМ анаэробы				
13	Bacteroides spp. / Porphyromonas spp. / Prevotella spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
14	Anaerococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
15	Peptostreptococcus spp. / Parvimonas spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
16	Eubacterium spp.	10 ^{3.1}	-0.1 (68-91%)	<input checked="" type="checkbox"/>
	Сумма: УПМ анаэробы	10 ^{3.1}	-0.1 (68-91%)	<input checked="" type="checkbox"/>
УПМ Haemophilus spp.				
17	Haemophilus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
УПМ Pseudomonas aeruginosa / Raistonia spp. / Burkholderia spp.				
18	Pseudomonas aeruginosa / Raistonia spp. / Burkholderia spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
УПМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.				
19	Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
Дрожжевые грибы				
20	Candida spp. *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
Патогены				
21	Mycoplasma genitalium **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
22	Trichomonas vaginalis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
23	Neisseria gonorrhoeae **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
24	Chlamydia trachomatis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	

* Абсолютный анализ Lg(X) ** Качественный анализ *** Ниже порогового значения

4 5 6 7 8 Lg
 логарифмическая шкала

Заключение

ДНК патогенных микроорганизмов не выявлена.
 Candida spp. ниже порогового значения.
 Структура бактериального микробиома не соответствует норме: присутствуют условно-патогенные микроорганизмы

Исследованные биоматериалы: Соскоб (уретра)



Исследование закрыл врач: Гуркина Н

Для проверки
 легальности
 бланка -
 отсканируйте QR



Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени Андрофлор®, Андрофлор® Скрин

Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;
- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса – ОБМ), нормофлоры и условно - патогенных микроорганизмов; Термин “УМП, ассоциированные с баквагинозом” используют для обозначения группы микроорганизмов в развитии урогенитальных заболеваний у мужчин.
- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах(ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности урогенитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ(Lg10) и в процентах(%) от ОБМ. Значения показателей в процентах(%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты(%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микоплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза. Степень дисбиоза оценивается только при ОБМ>10⁵.

Для удобства трактовки результатов в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

Контрольные показатели (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, транзиторная микрофлора):

- соответствие критериям
- не соответствие критериям

Нормофлора:

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

УМП и дрожжеподобные грибы:

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

Патогены:

- не выявлено
- обнаружено

Результат, в котором значение показателя ОБМ ниже порогового значения сочетается со значением показателя «Геномная ДНК человека» выше порогового значения, трактуется как «Нормоценоз» без оценки структуры микробиома. В этом случае цветовая маркировка в бланке результатов отсутствует.

Дополнительно с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.