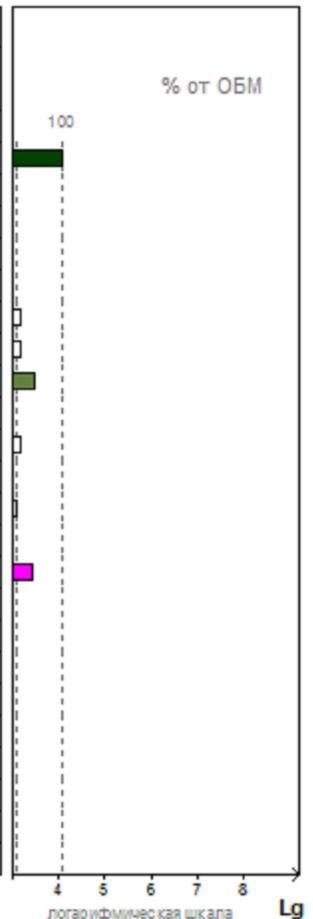


**Иванов Иван Иванович**

**Пол:** М  
**Возраст:** 34 г.(01.01.1990)  
**ИНЗ:** 0146551212121212045886  
**Дата взятия образца:** 17.10.2023 17:09  
**Дата поступления образца:** 18.10.2023 07:23  
**Врач:** 18.10.2023 18:20  
**Дата печати результата:** 18.10.2023 16:21

**Андрофлор**

№	Название исследования	Результат		% от ОБМ
		Количественный	Относительный Lg(X/ОБМ)	
	Геномная ДНК человека	10 <sup>3.5</sup>	<input type="checkbox"/>	
1	Общая бактериальная масса	10 <sup>4.1</sup>	<input type="checkbox"/>	
Транзитная микрофлора				
2	Lactobacillus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
Нормофлора				
3	Staphylococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
4	Streptococcus spp.	10 <sup>3.2</sup>	-0.9 (11-14%)	
5	Corynebacterium spp.	10 <sup>3.2</sup>	-0.9 (11-14%)	
	Сумма: Нормофлора	10 <sup>3.5</sup>	-0.6 (21-29%)	
УПМ, ассоциированные с баквагинозом				
6	Gardnerella vaginalis	10 <sup>3.2</sup>	-0.9 (11-14%)	
7	Ureaplasma urealyticum *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
8	Ureaplasma parvum *	10 <sup>3.1</sup>		
9	Mycoplasma hominis *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
	Сумма: УПМ, ассоциированные с баквагинозом	10 <sup>3.5</sup>	-0.6 (19-26%)	
УПМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.				
10	Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
Дрожжевые грибы				
11	Candida spp. *	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
Патогены				
12	Mycoplasma genitalium **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
13	Trichomonas vaginalis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
14	Neisseria gonorrhoeae **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	
15	Chlamydia trachomatis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>	



\* Абсолютный анализ Lg(X) \*\* Качественный анализ \*\*\* Ниже порогового значения

**Заключение**

ДНК патогенных микроорганизмов не выявлена.  
 ДНК дрожжевых грибов Candida spp. не выявлена.  
 Структура бактериального микробиома не соответствует норме: присутствуют условно-патогенные микроорганизмы (преобладают условно-патогенные микроорганизмы, ассоциированные с бактериальным вагинозом).

Исследованные биоматериалы: Секрет простаты



**Исследование закрыл врач: Гуркина Н**



Для проверки  
 легальности  
 бланка -  
 отсканируйте QR



## Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени Андрофлор®, Андрофлор® Скрин

### Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;
- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса – ОБМ), нормофлоры и условно - патогенных микроорганизмов; Термин “УМП, ассоциированные с баквагинозом” используют для обозначения группы микроорганизмов в развитии урогенитальных заболеваний у мужчин.
- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах(ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности урогенитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ(Lg10) и в процентах(%) от ОБМ. Значения показателей в процентах(%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты(%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микоплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза. Степень дисбиоза оценивается только при ОБМ $>10^5$ .

Для удобства трактовки результатов в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

**Контрольные показатели** (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, транзиторная микрофлора):

- соответствие критериям
- не соответствие критериям

**Нормофлора:**

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

**УМП и дрожжеподобные грибы:**

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

**Патогены:**

- не выявлено
- обнаружено

Результат, в котором значение показателя ОБМ ниже порогового значения сочетается со значением показателя «Геномная ДНК человека» выше порогового значения, трактуется как «Нормоценоз» без оценки структуры микробиома. В этом случае цветовая маркировка в бланке результатов отсутствует.

Дополнительно с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.