

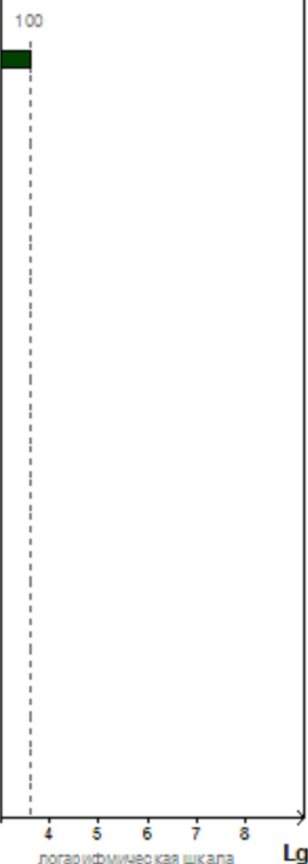
Иванов Иван Иванович

Пол: М
 Возраст: 34 л.(01.01.1990)
 ИНЗ: 014961121212125886

Адрес:
 Дата взятия образца: 11.11.2023 11:58
 Дата поступления образца: 12.11.2023 04:12
 Врач: 12.11.2023 17:37
 Дата печати результата: 12.11.2023 17:37

Андрофлор

№	Название исследования	Результат	
		Количественный	Относительный Lg(X/ОБМ)
	Геномная ДНК человека	10 ^{4.7}	☐
1	Общая бактериальная масса	10 ^{3.6}	☐
Транзиторная микрофлора			
2	Lactobacillus spp.	не выявлено	☐
Нормофлора			
3	Staphylococcus spp.	не выявлено	☐
4	Streptococcus spp.	не выявлено	☐
5	Corynebacterium spp.	не выявлено	☐
	Сумма: Нормофлора	не выявлено	☐
УПМ, ассоциированные с баквагинозом			
6	Gardnerella vaginalis	не выявлено	☐
7	Ureaplasma urealyticum *	не выявлено	☐
8	Ureaplasma parvum *	не выявлено	☐
9	Mycoplasma hominis *	не выявлено	☐
	Сумма: УПМ, ассоциированные с баквагинозом	не выявлено	☐
УПМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.			
10	Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.	10 ^{3.6}	☐
Дрожжеподобные грибы			
11	Candida spp. *	ниже ПЗ ***	☐
Патогены			
12	Mycoplasma genitalium **	не выявлено	☐
13	Trichomonas vaginalis **	не выявлено	☐
14	Neisseria gonorrhoeae **	не выявлено	☐
15	Chlamydia trachomatis **	не выявлено	☐



* Абсолютный анализ Lg(X) ** Качественный анализ *** Ниже порогового значения

Заключение

ДНК патогенных микроорганизмов не выявлена.
 ДНК дрожжевых грибов Candida spp. не выявлена.
 Структура бактериального микробиома соответствует норме.

Исследованные биоматериалы: Соскоб (уретра)



Исследование закрыл врач: Гуркина Н



Для проверки
 легальности
 бланка -
 отсканируйте QR



**Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин
методом ПЦР в режиме реального времени
Андрофлор®, Андрофлор® Скрин**

Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;
- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса – ОБМ), нормофлоры и условно - патогенных микроорганизмов; Термин “УМП, ассоциированные с баквагинозом” используют для обозначения группы микроорганизмов в развитии урогенитальных заболеваний у мужчин.
- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах(ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности урогенитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ(Lg10) и в процентах(%) от ОБМ. Значения показателей в процентах(%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты(%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микоплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза. Степень дисбиоза оценивается только при ОБМ>10⁴.

Для удобства трактовки результатов в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

Контрольные показатели (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, транзитная микрофлора):

- ☐ - соответствие критериям
- ☒ - не соответствие критериям

Нормофлора:

- ☒ - соответствие критериям нормы
- ☐ - умеренное отклонение от критериев нормы
- ☒ - выраженное отклонение от критериев нормы

УМП и дрожжеподобные грибы:

- ☐ - соответствие критериям нормы
- ☐ - умеренное отклонение от критериев нормы
- ☒ - выраженное отклонение от критериев нормы

Патогены:

- ☐ - не выявлено
- ☒ - обнаружено

Результат, в котором значение показателя ОБМ ниже порогового значения сочетается со значением показателя «Геномная ДНК человека» выше порогового значения, трактуется как «Нормоценоз» без оценки структуры микробиома. В этом случае цветовая маркировка в бланке результатов отсутствует.

Дополнительно с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.